



Anno 2013

Università degli Studi di BOLOGNA >> Sua-Rd di Struttura: "Matematica"

B.1.b Gruppi di Ricerca

1. Scheda inserita da altra Struttura ("Filologia Classica e Italianistica"), tra i componenti risultano persone afferenti a questa Struttura:

Nome gruppo*	Authorship, varianti, e stile: frontiere dell'analisi testuale tra filologia, linguistica, matematica e computer science
Descrizione	<p>L'obiettivo del progetto è incrociare il patrimonio metodologico della filologia, su temi naturalmente pluridisciplinari come authorship attribution e genetica dei testi, con i metodi della matematica, della computer science e della linguistica dei corpora, per misurare l'efficacia dell'interazione e la sua applicabilità a nuovi oggetti testuali e multimediali.</p> <p>Per individuare le linee di ricerca più promettenti, fra le molte oggi perseguite dalla comunità internazionale, l'interazione fra tecniche filologiche e metodologie algoritmiche e computazionali viene testata su due ampi ma coerenti filoni tematici: 1) authorship attribution: modalità qualitative e quantitative dinanzi a testi di paternità dubbia, falsificazioni documentarie, testi a più mani; stylistic fingerprint e applicazione di tecniche stilometriche a problemi quali l'imitazione, le parentele intertestuali, il ruolo dei generi; 2) genetica dei testi: analisi della variantistica (d'autore e di copia) e della propagazione dell'errore, per individuare tipologie formalizzabili e trattabili automaticamente; analisi del tasso di resistenza di un testo a fenomeni di modificazione intenzionale o preterintenzionale (e.g. riproduzione, epitomazione, traduzione).</p> <p>I case studies, che il gruppo sta enucleando (ad oggi il Diario Postumo di Montale), sono trattati sia sotto il profilo metodologico (per stabilire i più idonei sistemi di trattamento matematico e di annotazione informatica), sia sotto il profilo della ricaduta pratica (per verificare l'applicabilità a oggetti d'interesse sia per i Centri di ricerca che per il mercato). Il progetto ha ottenuto un finanziamento d'Ateneo, FARB 2013.</p>
Sito web	
Responsabile scientifico/Coordinatore	CONDELLO Federico (Filologia Classica e Italianistica)

Settore ERC del gruppo:

PE6_10 - Web and information systems, database systems, information retrieval and digital libraries, data fusion

SH5_11 - Cultural heritage, cultural memory

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
BARTOLINI	Ilaria	Informatica - Scienza e Ingegneria	Ricercatore	ING-INF/05
DEGLI ESPOSTI	Mirko	Matematica	Prof. Ordinario	MAT/07
GARULLI	Valentina	Filologia Classica e Italianistica	Ric. a tempo determ.	L-FIL-LET/02
TOMASI	Francesca	Filologia Classica e Italianistica	Ricercatore	ING-INF/05
VIALE	Matteo	Filologia Classica e Italianistica	Ricercatore	L-FIL-LET/12

2. Scheda inserita da altra Struttura ("Informatica - Scienza e Ingegneria"), tra i componenti risultano persone afferenti a questa Struttura:

Nome gruppo*	Biologia Computazionale e Bioinformatica
Descrizione	<p>Quest'area di ricerca applica modelli computazionali e tecniche informatiche a problemi importanti e difficili in ambito biologico, quali l'uso di tecniche di apprendimento automatico per la predizione di proprietà di proteine (come localizzazione subcellulare, topologia delle proteine di membrana, PTMs, ecc.), dell'effetto di mutazioni su struttura e funzioni delle proteine stesse e delle strutture proteiche a partire da sequenze aminoacidiche. Nell'ambito della biologia dei sistemi ci si occupa di definire linguaggi per specificare sistemi bio-chimici capaci di modellare in modo appropriato complesse interazioni biologiche, di definire modelli teorici da utilizzarsi come riferimento per applicazioni di biologia simbolica e di progettare algoritmi efficienti per simulare e analizzare differenti sistemi biologici. Al tempo stesso, la ricerca del DISI si occupa di framework computazionali che cercano di imitare il modo in cui la natura e gli esseri viventi risolvono compiti cognitivo-percettivi e sono in grado di apprendere e auto-organizzarsi.</p> <p>Il gruppo rappresenta una linea di ricerca dipartimentale articolata in più unità tematiche ciascuna delle quali ha un</p>

responsabile specifico. Poiché il modello descrittivo prevede la possibilità di indicare un solo responsabile, si è ritenuto opportuno non riempire il campo responsabile/coordinatore per fotografare la situazione nel modo più realistico possibile, evitando una selezione arbitraria.

Sito web

Responsabile scientifico/Coordinatore

Settore ERC del gruppo:

PE6_13 - Bioinformatics, biocomputing, and DNA and molecular computation

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
DI LENA	Pietro	Informatica - Scienza e Ingegneria	Ricercatore	INF/01
FARISELLI	Piero	Informatica - Scienza e Ingegneria	Ricercatore	INF/01
GORRIERI	Roberto	Informatica - Scienza e Ingegneria	Prof. Ordinario	INF/01
LANEVE	Cosimo	Informatica - Scienza e Ingegneria	Prof. Ordinario	INF/01
MALTONI	Davide	Informatica - Scienza e Ingegneria	Prof. Ordinario	ING-INF/05
MARGARA	Luciano	Informatica - Scienza e Ingegneria	Prof. Ordinario	INF/01
PROFITI	Giuseppe	Informatica - Scienza e Ingegneria	Dottorando	INF/01
SAVOJARDO	Castrense	Scienze Biologiche, Geologiche e Ambientali	Assegnista	INF/01
VASSURA	Marco	Matematica	Assegnista	MAT/09
ZAVATTARO	Gianluigi	Informatica - Scienza e Ingegneria	Prof. Associato	INF/01