



Anno 2013

Università degli Studi di TRENTO >> Sua-Rd di Struttura: "Centro di Biologia Integrata"

B.1.b Gruppi di Ricerca

1. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Genomica Traduzionale
Descrizione	L'attività del laboratorio si concentra sullo studio del controllo traduzionale in condizioni fisiologiche e patologiche, in particolare tumori neurali e malattie neurodegenerative dei neuroni motori. Il laboratorio sviluppa tecniche e approcci computazionali per studiare su scala genomica le variazioni qualitative e quantitative di efficienza traduzionale, allo scopo di identificare nuovi marcatori e nuovi potenziali bersagli di terapia. Il laboratorio cerca inoltre di valutare il possibile interesse farmacologico di piccole molecole modulatorie della traduzione.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/11877/laboratory-translational-genomics
Responsabile scientifico/Coordinatore	QUATTRONE Alessandro (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS2_2 - Transcriptomics

LS4_6 - Cancer and its biological basis

LS5_11 - Neurological disorders (e.g. Alzheimer's disease, Huntington's disease, Parkinson's disease)

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
BERTINI	Efrem	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13
CONTI	Luciano	Centro di Biologia Integrata	Ricercatore	BIO/14
DASSI	Erik	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13
PERONI	Daniele	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13
SIDAROVICH	Viktoryia	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13
STEFANI	Giovanni	Centro di Biologia Integrata	Ric. a tempo determ.	BIO/13
TEBALDI	Toma	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13
ZUCCOTTI	Paola	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13

2. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Neurobiologia dello Sviluppo
Descrizione	Gli obiettivi del laboratorio sono quelli di capire i meccanismi molecolari ed i fattori che guidano la specificazione, proliferazione e differenziamento neuronale, con particolare attenzione alla formazione dei neuroni retinici. Analizziamo questi processi mediante l'uso di diversi organismi modello, da zebrafish al topo alle colture cellulari. Combiniamo tecniche di biologia molecolare, microchirurgia e micromanipolazione, istologia ed immunohistochimica al fine di isolare nuovi candidati importanti per il differenziamento neurale.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/11908/laboratory-developmental-neurobiology
Responsabile scientifico/Coordinatore	CASAROSA Simona (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS3 - Cellular and Developmental Biology: Cell biology, cell physiology, signal transduction, organogenesis, developmental genetics, pattern formation in plants and animals, stem cell biology

LS5 - Neurosciences and Neural Disorders: Neurobiology, neuroanatomy, neurophysiology, neurochemistry, neuropharmacology, neuroimaging, systems neuroscience, neurological and psychiatric disorders

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
BOZZA	Angela	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/06
MESSINA	Andrea	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/06
INCITTI	Tania	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/06

3. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Virologia Molecolare
Descrizione	Il Laboratorio di Virologia Molecolare ha come oggetto di studio i retrovirus. Tra i retrovirus, HIV-1 ha un genoma ridotto e sfrutta quindi i pathways cellulari per portare a termine il proprio ciclo replicativo. Lo scopo delle nostre ricerche è quello di individuare le interazioni che occorrono tra il virus e la cellula ospite in particolare all'interno del compartimento nucleare. A tal fine il laboratorio utilizza tecniche sperimentali di biologia molecolare e tecniche di microscopia a fluorescenza. Le attività di ricerca del Laboratorio di Virologia Molecolare si sviluppano principalmente lungo due linee: 1) analisi topologica dei retrovirus (HIV-1 e MLV) nel compartimento nucleare allo scopo di determinare il ruolo dell'architettura nucleare nella regolazione del ciclo virale. Tali studi vengono condotti con tecniche di microscopia a fluorescenza confocale o wide-field per esperimenti in time lapse. Questi progetti di ricerca richiedono il coinvolgimento della Microscopy facility del CIBIO. 2) analisi dei determinanti molecolari nella regolazione dell'integrazione virale in punti specifici della cromatina. Lo scopo delle nostre ricerche è quello di individuare fattori e strutture nucleari utilizzati da HIV-1 allo scopo di integrare in punti specifici del DNA cellulare. I progetti di questo settore richiedono il coinvolgimento della Next Generation Sequencing facility del CIBIO.
Sito web	http://web.unithn.it/en/cibio/11903/laboratory-molecular-virology
Responsabile scientifico/Coordinatore	CERESETO Anna (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS8 - Evolutionary, Population and Environmental Biology: Evolution, ecology, animal behaviour, population biology, biodiversity, biogeography, marine biology, eco-toxicology, microbial ecology

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
CORADIN	Tiziana	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/11
CASINI	Antonio	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/11
FINDLAY-WILSON	Stephen John David	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/11
MAESO GALLEGO	Rubén	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/11

4. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Oncologia Computazionale
Descrizione	Il laboratorio si occupa della caratterizzazione dell'eterogeneità e dell'evoluzione di tumori solidi col fine di identificare marcatori di progressione di malattia o di risposta alla terapia. Per questo fine vengono sviluppate metodiche di analisi matematiche e computazionali per meglio estrarre informazioni rilevanti da sequenze - genomiche generate da tessuti e da materiale circolante (e.g. DNA in plasma). Inoltre studiamo le relazioni tra variazioni germinali codificanti e non codificanti e specifici genotipi somatici nel contesto della genesi di malattie tumorali.

Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/18721/laboratory-computational-oncology
Responsabile scientifico/Coordinatore	DEMICHIELIS Francesca (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS2_1 - Genomics, comparative genomics, functional genomics

LS2_11 - Computational biology

LS2_2 - Transcriptomics

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
GARRITANO	Sonia Iolanda	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/12
LECCA	Paola	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/12
PRANDI	Davide	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/12
ROMANEL	Alessandro	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/12

5. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Biologia e Biotecnologie dell'RNA
Descrizione	Il laboratorio ha attualmente due principali interessi di ricerca: 1) microRNA. La deregolazione dei microRNA è implicata in numerose malattie ed il laboratorio ne studia il ruolo funzionale e l'utilizzo come biomarcatori in malattie neurodegenerative quali la demenza frontotemporale ed in malattie oncologiche quali il tumore del polmone e della prostata. 2) Modulazione dello splicing dell'RNA. Numerose mutazioni possono causare malattie genetiche alterando il processo dello splicing dell'RNA. Il laboratorio studia possibili approcci di terapia genica volti a ripristinare il corretto processo di splicing, mediante l'impiego di acidi nucleici. In particolare, tali approcci sono indirizzati alla cura di demenza frontotemporale, distrofie retiniche ed alcune malattie metaboliche.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/11886/laboratory-rna-biology-and-biotechnology
Responsabile scientifico/Coordinatore	DENTI Michela Alessandra (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS1_4 - RNA synthesis, processing, modification and degradation

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
BACCHI	Niccolo'	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13
COVELLO	Giuseppina	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/11
DEL VESCOVO	Valerio	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/11
FONTANA	Francesca	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13
GRASSO	Margherita	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/11
SIVA	Kavitha	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13
AVOGARO	Laura	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13

6. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Reti Trascrizionali
Descrizione	Il focus del laboratorio è lo studio di fattori di trascrizione sequenza-specifici, dei meccanismi con cui essi riconoscono promotori bersaglio e ne regolano la trascrizione, l'effetto di mutazioni nei fattori di trascrizione ritrovate in genomi di cellule tumorali, l'impatto di varianti polimorfiche nei siti bersaglio dei fattori di trascrizione. Le attività principali del laboratorio si indirizzano allo studio della famiglia di proteine p53, compresa la valutazione di piccole molecole che attivino la p53 selvatica o potenzialmente riattivino forme mutate di p53, ma sono attivi anche progetti che valutano il destino di RNA messenger bersaglio di p53, attraverso lo studio di proteine leganti l'RNA ed RNA non codificanti, e l'effetto di varianti al 5'UTR di p16INK4A e PTCH1b. Il gruppo ha collaborazioni attive con diverse istituzioni internazionali: Joaquin Espinosa, UC Boulder, USA; Robert Spitale, UC Irvine, USA; Michael Resnick, NIEHS, USA; Hector Viadiu, National Autonomous University of Mexico; Tali Haran, Technion, Haifa, Israel; Lucilia Saraiva, U. Porto, Portugal; Thierry Soussi, Karolinska Institute, Sweden; Paola Ghiorzo, U. Genova; Gilberto Fronza, U. Genova; Sonja Levanat, R. Boskovic Institute, Zagreb.
Sito web	http://web.unittn.it/en/cibio/11884/laboratory-transcriptional-networks
Responsabile scientifico/Coordinatore	INGA Alberto (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS1_1 - Molecular interactions

LS1_4 - RNA synthesis, processing, modification and degradation

LS1_5 - Protein synthesis, modification and turnover

LS2_2 - Transcriptomics

LS2_6 - Molecular genetics, reverse genetics and RNAi

LS3_11 - Cell genetics

LS3_4 - Apoptosis

LS4_6 - Cancer and its biological basis

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
BISIO	Alessandra	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/18
CIRIBILLI	Yari	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/18
SHARMA	Vasundhara	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/18
ZACCARA	Sara	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/18

7. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Genomica microbica
Descrizione	Attività di ricerca di base mirata allo studio di meccanismi e fattori di virulenza e patogenicità, con l'applicazione di una combinazione di approcci a base genomica, biomolecolare, biochimica e computazionale. Attività di ricerca applicata mirata allo sviluppo ed applicazione di nuove metodiche molecolari e computazionali per l'identificazione e la caratterizzazione di microrganismi patogeni e delle loro funzionalità.
Sito web	http://web.unittn.it/en/cibio/11881/laboratory-microbial-genomics
Responsabile scientifico/Coordinatore	JOUSSEON Olivier (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS2_1 - Genomics, comparative genomics, functional genomics

LS6_7 - Microbiology

LS7_2 - Diagnostic tools (e.g. genetic, imaging)

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
BALLARINI	Annalisa	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/19
CAFARDI	Valeria	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/19
CASONATO	Stefano	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/19
DE SANTIS	Micaela	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/19
FANTAPPIE'	Laura	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/19
HONG	Phuoc Toan	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/19

8. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Neurobiologia Molecolare e Cellulare
Descrizione	Lattività di ricerca del gruppo è indirizzata a comprendere i meccanismi molecolari alla base della localizzazione degli RNA in neuroni e del loro ruolo nello sviluppo e funzionamento della cellula nervosa. In particolare, il laboratorio è interessato alla caratterizzazione di proteine che legano l'RNA e ne controllano alcuni aspetti del metabolismo quali lo splicing, la stabilità ed il trasporto in specifici compartimenti intracellulari come dendriti, assoni o sinapsi. Tecniche di biologia molecolare, cellulare e di neurobiologia vengono combinate con microscopia a fluorescenza e in time-lapse per studiare la cinetica di proteine ed RNA in neuroni. Questo approccio multidisciplinare aiuterà a comprendere i meccanismi molecolari alla base del trasporto intracellulare dell'RNA e del controllo traduzionale locale ed è importante per una migliore comprensione della patogenesi di diverse malattie neurologiche.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/11890/laboratory-molecular-and-cellular-neurobiology
Responsabile scientifico/Coordinatore	MACCHI Paolo (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS3_2 - Cell biology and molecular transport mechanisms

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
FILOSI	Michele	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	INF/01
PENNUTO	Maria	Centro di Biologia Integrata	Ric. a tempo determ.	BIO/11
VIDALINO	Laura	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/11

9. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio Armenise-Harvard di neurobiologia assonale
Descrizione	Una precisa elaborazione e organizzazione dei circuiti neuronali è alla base di qualsiasi sistema nervoso correttamente funzionante. Allo scopo di stabilire questi circuiti, i neuroni formano connessioni straordinariamente accurate con le loro cellule bersaglio durante lo sviluppo. Ma come vengono stabilite queste connessioni? I neuroni inviano ramificazioni cellulari chiamati assoni, che navigano in un ambiente complesso per raggiungere correttamente il loro obiettivo, un processo noto come guida assonale. La comprensione delle molecole chiave che inducono la formazione di tali precisi circuiti è fondamentale, in quanto qualsiasi errore in questo processo, sia durante lo sviluppo o dopo lesioni o malattie, compromette il corretto funzionamento del sistema nervoso. Il nostro laboratorio studia i meccanismi cellulari e molecolari che consentono agli assoni di crescere e di trovare con precisione i loro bersagli durante lo sviluppo. In particolare siamo interessati a capire il ruolo di RNA non codificanti in questo processo.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/23651/the-giovanni-armenise-harvard-laboratory-of-axonal-neurobiology
Responsabile scientifico/Coordinatore	BAUDET Marie-Laure Michele (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
IYER	Archana	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/09

10. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio Armenise-Harvard di biologia sintetica e ricostruttiva
Descrizione	La biologia contemporanea è dipendente dalla funzione dei cluster Fe-S nel trasferimento di elettroni e nella catalisi. La prevalenza di ferro e zolfo sulla terra, e labilità del ferro e dello zolfo di assemblarsi facilmente in complessi, e la presenza estensiva di proteine Fe-S in tutti i regni della vita, hanno portato all'ipotesi che i complessi Fe-S siano tra i primi catalizzatori della vita. Fino ad adesso, la ricerca sul ruolo dei cluster Fe-S nelle origini della vita si è concentrata su minerali contenenti ferro e zolfo e su siti geologici ricchi di questi due elementi, come i camini idrotermici vulcanici. Tuttavia, le condizioni dei camini idrotermici potrebbero non essere adatte per molti altri passaggi necessari per l'emergenza della vita. Esploriamo il potenziale di piccoli peptidi nello stabilizzare i cluster Fe-S in condizioni plausibilmente vicine a quelle prebiotiche. Inoltre investighiamo la divisione dei sistemi viventi e non viventi costruendo cellule artificiali da componenti purificate. Per ottenere un sistema che funzioni in maniera prevedibile, le parti biologiche sono standardizzate e modellate con metodi computazionali in condizioni cell-free. Fino ad ora abbiamo costruito cellule artificiali che possono sentire e rispondere all'ambiente e sono capaci di comunicare chimicamente con cellule naturali vive.
Sito web	http://web.unin.it/en/cibio/11912/armenise-harvard-laboratory-synthetic-and-reconstructive-biology
Responsabile scientifico/Coordinatore	MANSY Sheref Samir (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS9_2 - Synthetic biology, chemical biology and new bio-engineering concepts

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
CECCHI	Dario	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/10
CHIZZOLINI	Fabio	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/10
FORLIN	Michele	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/10
LENTINI	Roberta	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/10
MARTINI	Laura	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/10
SCINTILLA	Simone	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/10
TORRE	Paola	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/10

11. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio interazione virus-cellula
	Obiettivi di ricerca: - studiare l'interazione tra virus e cellula ospite - Studio dei fattori retrovirali e dei fattori cellulari che modulano l'infettività virale - Studio dei meccanismi di latenza virale - Studio del ruolo di virus endogeni in patogenesi. - Sviluppo di nuovi composti antivirali Linee di ricerca: - Studio di fattori retrovirali che promuovono l'infettività dei retrovirus. La proteina Nef dei lentivirus di primate è un fattore necessario per mantenere intatta l'infettività della particella retrovirale. Il gruppo di ricerca sta investigando il meccanismo molecolare con cui la proteina retrovirale manipola l'ambiente cellulare a vantaggio del parassita. Sulla

Descrizione	stessa linea di ricerca, il gruppo sta cercando nel proteoma di altri retrovirus fattori di infettività dall'attività simile. Dopo aver dimostrato che anche i gammaretrovirus hanno sviluppato fattori simil Nef, cerchiamo ora proteine retrovirali funzionalmente correlate a Nef in altri retrovirus. - il meccanismo con cui HIV stabilisce uno stato latente. HIV deriva filogeneticamente dal corrispondente virus delle scimmie (SIV) che non causa patologie gravi nell'ospite naturali. Stiamo studiando la diversa propensione di HIV e SIV di stabilire uno stato di latenza e identificando i determinanti retrovirali cruciali per tale meccanismo - Il ruolo dei retrovirus endogeni umani nella patogenesi. Stiamo studiando il coinvolgimento del retrovirus endogeno umano HERV-W/MSRV nella sclerosi multipla, analizzando la capacità di sequenze retrovirali di questa categoria a originare elementi genetici retrotrasponibili e a innescare episodi autoimmuni capaci di contribuire alla patologia. - sviluppo di metodiche e tecniche per la rilevazione e la quantificazione dei retrovirus e per lo studio delle loro capacità di entrare nella cellula ospite - Sviluppo di nuove molecole sintetiche antivirali in grado di interferire con l'interazione fra virus e recettore cellulare.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/24789/laboratory-of-virus-cell-interaction
Responsabile scientifico/Coordinatore	PIZZATO Massimo (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS6 - Immunity and Infection: The immune system and related disorders, infectious agents and diseases, prevention and treatment of infection

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
CUCCURULLO	Emilia Cristiana	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/19
ROSA	Annachiara	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/19
ZIGLIO	Serena	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/19

12. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di Screening su base Genomica
Descrizione	Il laboratorio persegue la finalità di identificare e caratterizzare il meccanismo d'azione di nuove molecole attive nel regolare l'apparato traduzionale eucariotico, utilizzando tecnologie ad alta processività ed analisi su base genomica. Le linee di ricerca attuali sono la caratterizzazione di nuove molecole modulatorie di proteine leganti RNA, quali HuR e MATR3, e l'impatto sul controllo traduzionale delle cellule tumorali del candidato farmaco FK866.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/11892/laboratory-genomic-screening
Responsabile scientifico/Coordinatore	PROVENZANI Alessandro (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS1_4 - RNA synthesis, processing, modification and degradation

LS4_6 - Cancer and its biological basis

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
CASTIGLIONI	Ilaria	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13
D'AGOSTINO	Vito Giuseppe	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/13
THONGON	Natthakan	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13
ZUCAL	Chiara	Centro di Biologia Integrata	Dottorando	BIO/13

13. Scheda inserita da questa Struttura ("Centro di Biologia Integrata"):

Nome gruppo*	Laboratorio di metagenomica computazionale
Descrizione	Il laboratorio studia la diversita' microbica che colonizza il corpo umano (microbiota) combinando approcci sperimentali e computazionali di tipo metagenomico e meta'omico. I progetti finanziati su cui il laboratorio si focalizza riguardano la caratterizzazione del ruolo del microbiota umano in infezioni croniche e in malattie autoimmuni e l'individuazione delle sorgenti di diversita' microbica nella colonizzazione orale e intestinale del neonato.
Sito web	http://web.unitn.it/en/cibio/28516/laboratory-of-computational-metagenomics
Responsabile scientifico/Coordinatore	SEGATA Nicola (Centro di Biologia Integrata)

Settore ERC del gruppo:

LS2 - Genetics, Genomics, Bioinformatics and Systems Biology: Molecular and population genetics, genomics, transcriptomics, proteomics, metabolomics, bioinformatics, computational biology, biostatistics, biological modelling and simulation, systems biology, genetic epidemiology

Componenti:

Cognome	Nome	Struttura	Qualifica	Settore
SCHOLZ	Matthias	Centro di Biologia Integrata	Assegnista	BIO/19